

Qui sommes nous ?

> [ENGLISH](#)



Institut de Génétique et Microbiologie
UMR 8621



Rechercher



L'INSTITUT

LA RECHERCHE

COMMUNICATIONS
SCIENTIFIQUES

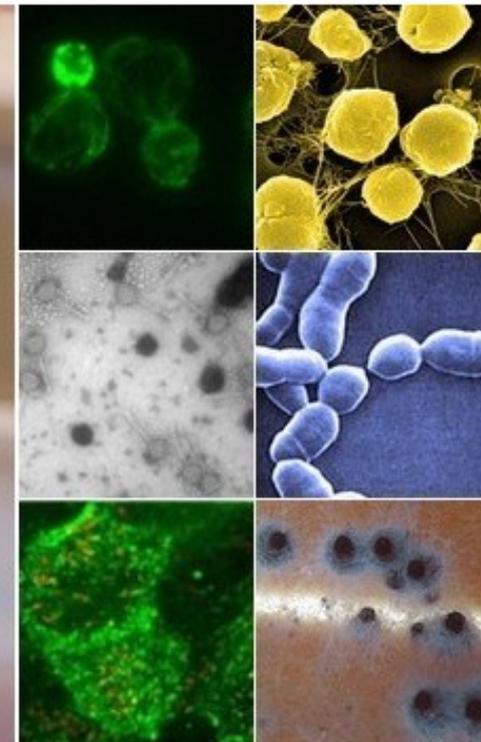
ENSEIGNEMENTS
ET FORMATIONS

PLATEFORME ET
RESSOURCES TECHNOLOGIQUES

INTRANET



© CNRS Photothèque - RAQUET Hubert



Les prochains
ÉVÈNEMENTS

> Tous les évènements

11 décembre 2012 : SÉMINAIRE

Nancy KLECKNER

How *E. coli* organizes and segregates its
chromosome : dynamics of the living nucleoid.

12 mars 2013 : SÉMINAIRE

Marc ISALAN, PhD

The propagation of perturbations in rewired gene
networks.

Plate-forme eBio



Plate-forme de Bioinformatique
Université Paris Sud

Accueil Bases de données Outils Download NGS Services Contacts

Bienvenue à eBIO !

eBio est la plate-forme Bioinformatique de l'Université Paris Sud. Sa mission est d'offrir des capacités de calcul (cluster 80-coeur à Orsay) et de mettre à la disposition de la communauté les ressources bioinformatiques et génomiques produites par les laboratoires du grand campus.

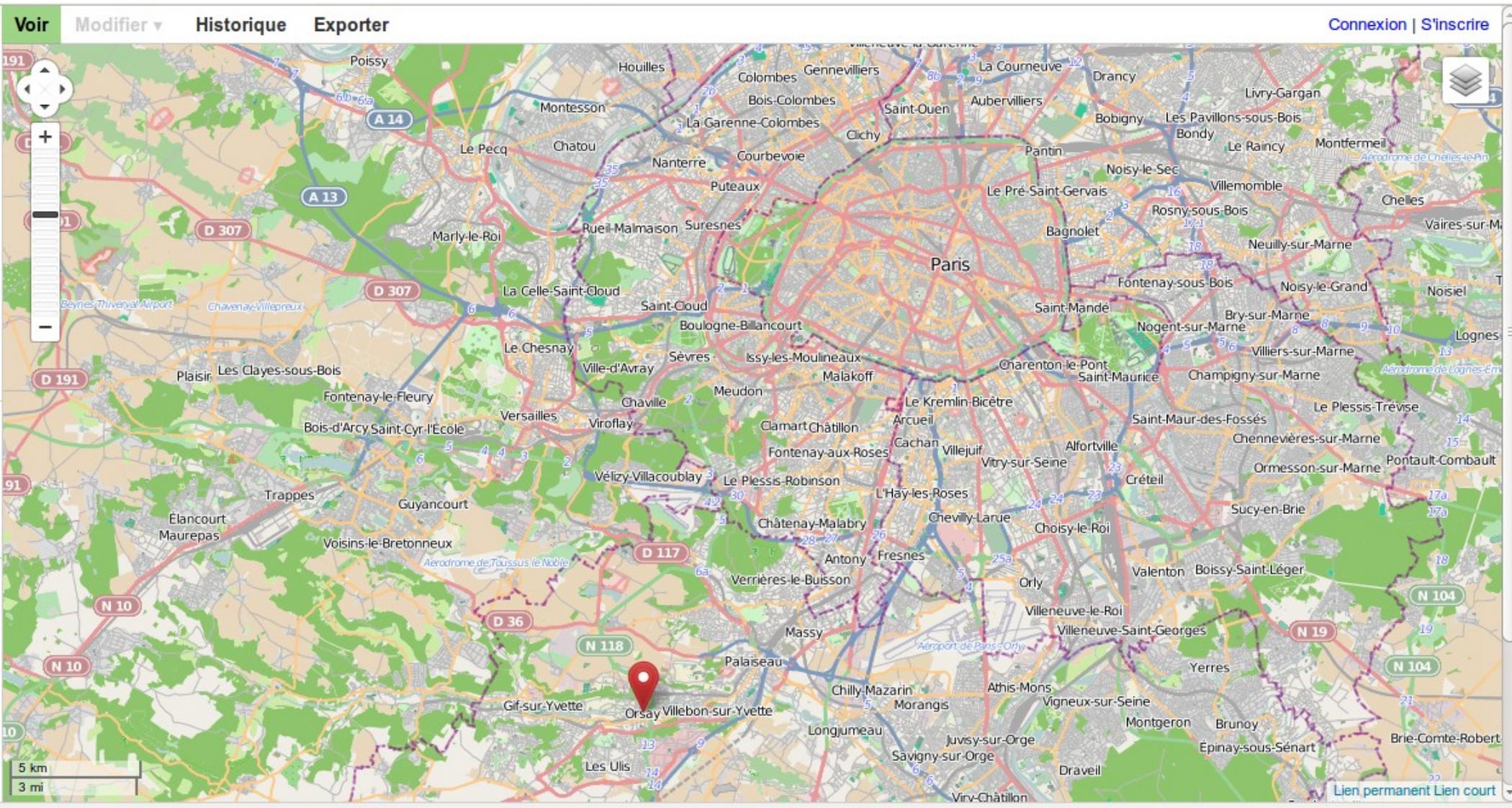
Notre plate-forme est localisée sur deux sites: l'Institut de Génétique et Microbiologie [IGM](#) à Orsay et l'Institut de Recherche en Cancérologie Intégrée de Villejuif [IRCIV](#).

eBIO est une composante de la grande plate-forme IBiSA/Renabi "Ile de France".

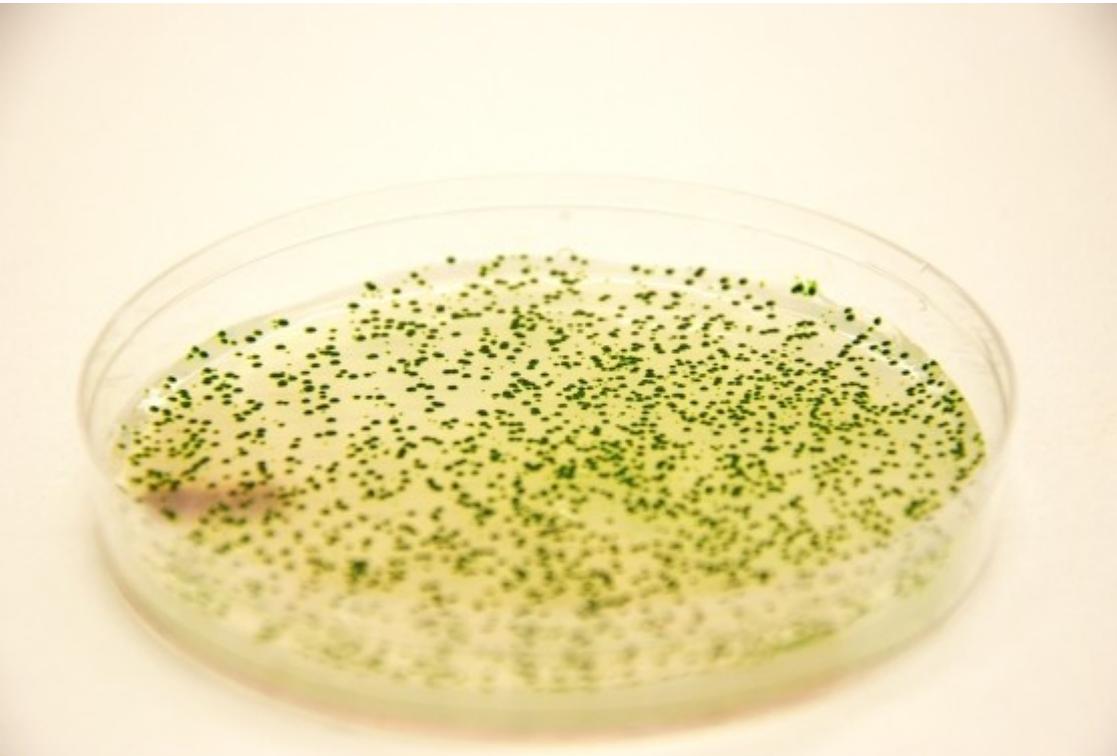
Pour une demande de services Bioinformatiques, veuillez suivre ce lien [->](#)

Groupe RNA-Seq Aplibio
Prochaine réunion : à définir
Réunion du 16 mars annulé

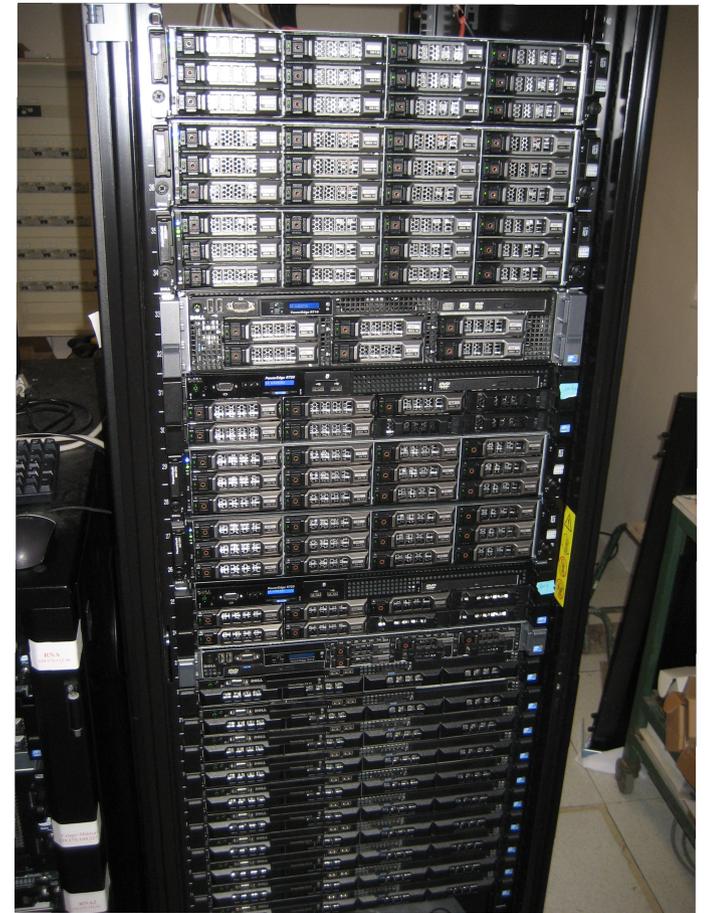
Où sommes nous ?



Un cluster dans une boîte de Petri ?



VS



Génome

ADN

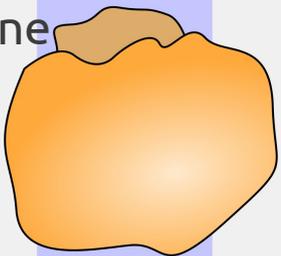
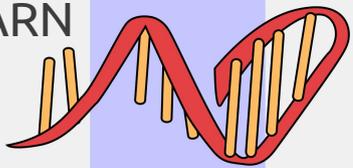
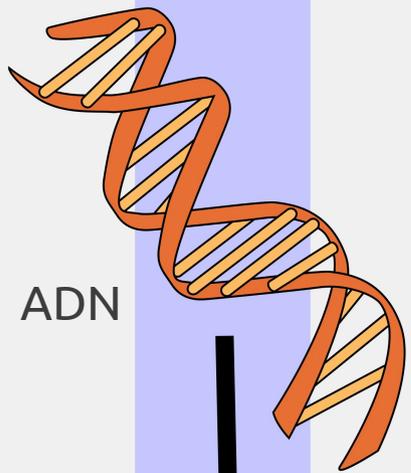
ARN

Protéine

transcription

traduction

Transcriptome



Séquençage

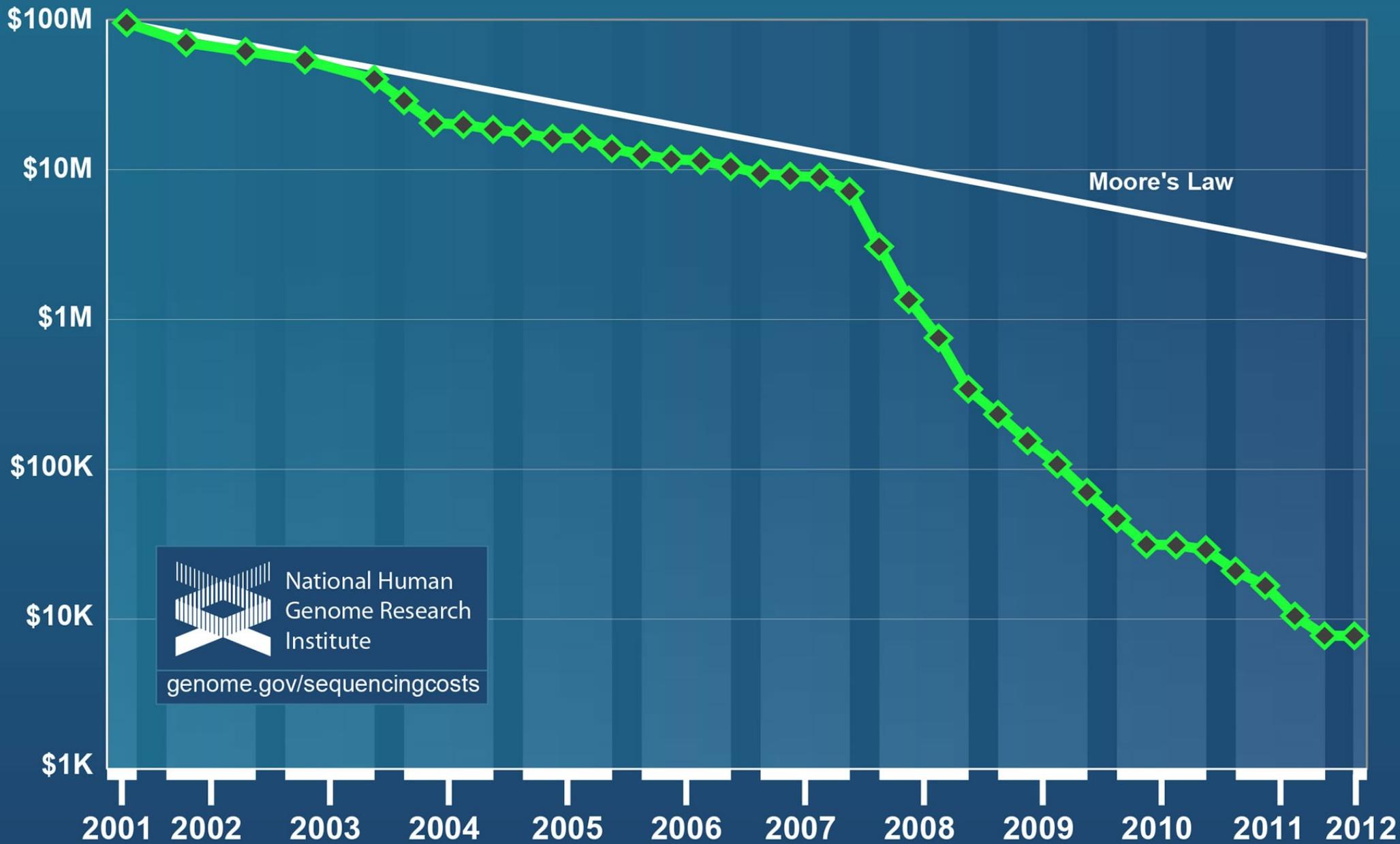


Séquences génétiques

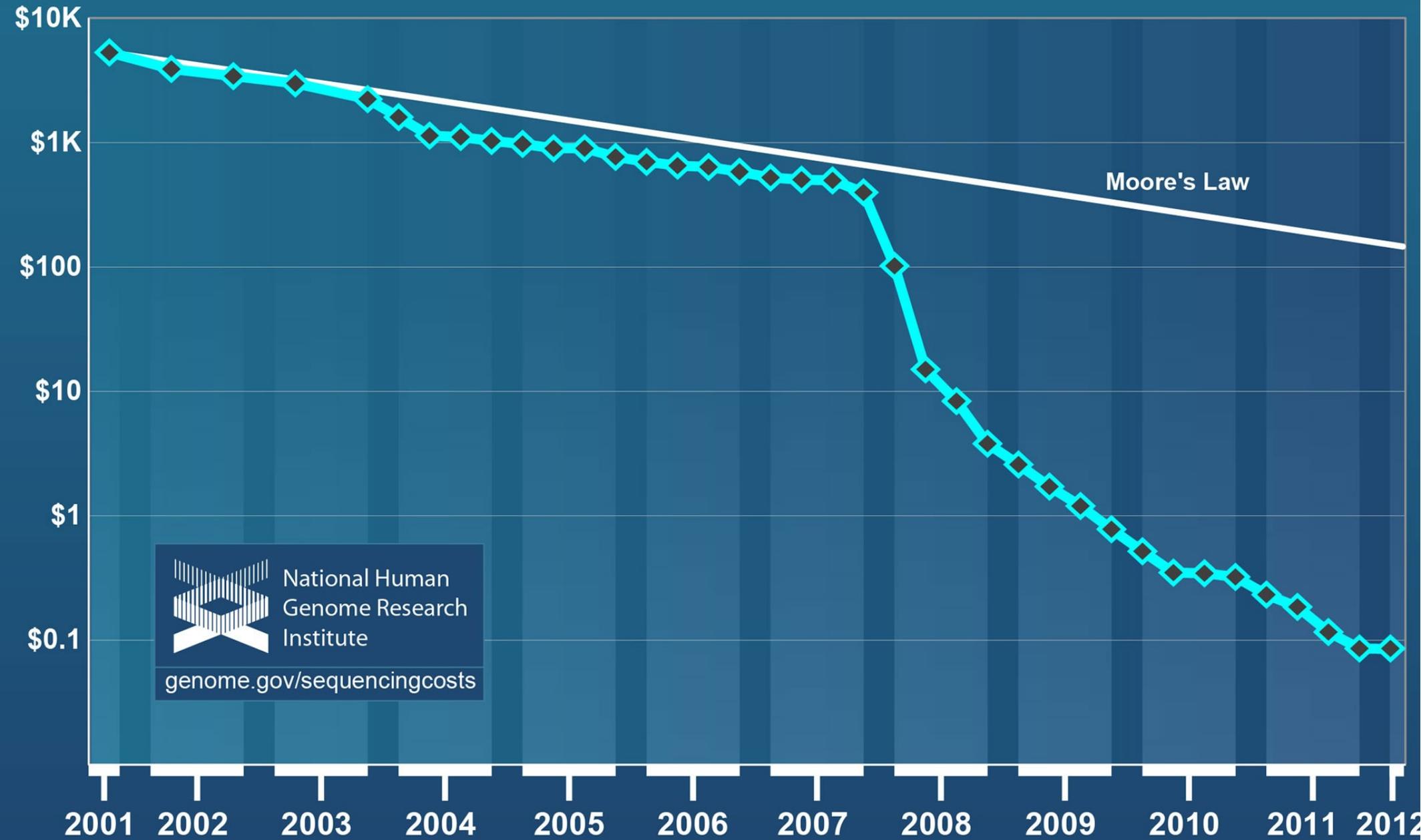
GAATAAGAAAATGAGAGCTTGTAAAGTAACAGAAGCAACCTCCCTCAC
ACAGTCAATGATATCTGGACTCCTTGCTTCAATGTTCCCTCTTATGCAAAG
AAAGAAAAACACAAAGGAATAGAGTTGATGGTGTAGCCATTGTTAGGAAA
CTTAAAATTGTCAGTTTCAACCTTCACTGAACTTGAAAAATGTAATTT
TTAGTCAATTTCTATGTCAGTCAAACCTGGTTTCACCAGTTTTTCTCT
ACTCAGAATCCAGGTAGGCCTAAATCAGAAATGCTTCTTGTCGACACATA
TAAGAGTCCCCGAACACCCATCCAAATGTTACCATGAAGTATGAATAAT
GCCTGAGAAAAGCAAACCAAACAAATTGGTTCCCCTAACAGTAAATTTA
AAGTAATTGAGAAACATGGTCAGTTTTGTACACAAAAATTAGGGTAAAT
GTTGAATACAACAGGAGATAAAGTTAGAGCAttttaaataaacacaagaa
aaaacaagccaactaaagtaaaaatatataaaaatgtagtgagattgacc
acgtgttcacaattgttaaacttggataagaggtacatgaaaatgaatca
ctccctctcttcaccgacttttatgtttgcaattttccataattaaaaga
tggagaAAATAAATCTGAAAAATCCAATTTGTGTTTCTTTAAGGTCTTCT
TTAAACAACATAAATAAAAAATAGAAAATTGTTAGAATACATATAAAAA
AAGATGCATTATACCATAAATTTTCTGGGGGAAATTAATACAGAACAGAA
TATTGAATTAATCTCAGGGGAAAAAAGACCACCAATTAACCATGAAAATG
TTGTGACTCTTAATGGATAAGTTCAGTCATTTTTTTTTTAGCTTTTAACCG
GACAAAAAAGAAAGAAATGTCATTCTGCAAATTTGCGTGTTGGTTTAA
acacatacacacacatacacacacacacacacacacacacacacacacac
acacTTCATTCTGCAAACAGGAGAGGGGATCCCTAGGAAATTTTAAATA
AGTAGTTTTACATAAGTTATTTGCAAAGTTGGTTTGTCTACAAAGCCAG
TTATTTTTTTAAATTGCTGAGTGCTAGGAAACAGTAATTAATCTAAAA
GCAAATACGGTACTAATCAAAGACAAAAATGAAGGTTTTGTTAAAAATG
ATATTAACCGAATCCAATTTAAATACCTTAATAAAATTATGTGTGGTAG
AAAACCTTCTGGAAATGGACTTAACTAAAAATAATAAATAATAGTGAAAT
GTTAAAGAACAAACCAGGTCTAAAAATGAAGAGATTTTCTTAGTAAATC
ACAATATTAGTGGGGTAGAGGAAACCCTAGTATACATGATCCACTATTTG
GTCTAAAATACAATATAGATACTATCTCAGGGAACTTTGTTTTAAATTTG
AATCTACTGGGATATAAACTCTGTATTAAGGGATGGCTGCTCAGTGAAGG
ACCTTAAGCTGAATAATGAGTGTAGCTTGTTAAAGAAAAGCAAATAAAA
GGCTTCTGGCTTTAGGAAAAATAAAAGTCATGAGACTACATGTTTATTC
TCAGAAGTTCCCTTTTGTATGATAAAAGCACAAATTCCTTCCCTGTCCCC
AGGGCTTTCTTTCTACTTTGTTCTTTAGCACCCCAGGACCCTGTCTTTAA
CCTAACATCCAATTCTAACCAGAATCTTCTATGTCCTGAATTAATCTTGT
CAACTTCTTAAAGCTATTTTTGTTTAGACAGAAGATTTACTTAAAAGAAA
TTTTCTGACTAGgtattagttagttttcacactgctataaagaactacct
gagactgggtcatttataaagaaaagaggtttaattgagtcacagctctg
catggctagggaggcctcaggaaacttacaataatggcataaggtgaaag
ggaagctaggcacgtcttacagggcaacaggagagagagaggaggaattt
gccacacacatttaaatcatcagatctcatgaaaactgcctcactatcat
gagaacagcatgggggaaccactcccatgatccaatcaccttccaccagg
tcccttccttgacacatggggattacaatttgagatgagatttgggtgag
gcacagagccaaactatatcaCtctatccctggccccctccaaaatctcat

```
vdaric@VogonJelts:~$ ls -hl /opt/galaxy_indexes/hg19/seq/
total 3,8G
-rw-r--r-- 1 galaxy galaxy 779M août 13 2010 hg19.2bit
-rw-r--r-- 1 galaxy galaxy 3,0G nov. 22 18:01 hg19.fa
vdaric@VogonJelts:~$ █
```

Cost per Genome



Cost per Raw Megabase of DNA Sequence



Notre cluster

- 11 nœuds
- 104 cœurs
- 456 Go RAM
- ~ 60 To

